

Erratum to: Seed dormancy QTL identification across a *Sorghum bicolor* segregating population

Renata Cantoro · Luis G. Fernández · Gerardo D. L. Cervigni ·
María V. Rodríguez · Jorge O. Gieco · Norma Paniego ·
Ruth A. Heinz · Roberto L. Benech-Arnold

Published online: 23 June 2016
© Springer Science+Business Media Dordrecht 2016

Erratum to: Euphytica
DOI 10.1007/s10681-016-1717-z

Due to an unfortunate turn of events, an incorrect version of Table 3 was published, including incorrect information about *qGI-6* (physical location) and *qGI-7* (flanking markers, physical location, physical size, genetic size, genes, genes/Kb and genes/cM). The

correct Table 3 is published here and should be treated as definitive by the reader.

The online version of the original article can be found under doi:[10.1007/s10681-016-1717-z](https://doi.org/10.1007/s10681-016-1717-z).

R. Cantoro (✉) · M. V. Rodríguez ·
R. L. Benech-Arnold
IFEVA, Universidad de Buenos Aires, CONICET,
Facultad de Agronomía, C1417DSE Buenos Aires,
Argentina
e-mail: rcantoro@agro.uba.ar

L. G. Fernández · N. Paniego · R. A. Heinz
Instituto de Biotecnología, CICVyA, Instituto Nacional de
Tecnología Agropecuaria (INTA)-Castelar,
B1686IGC Hurlingham, Buenos Aires, Argentina

G. D. L. Cervigni
Centro de Estudios Fotosintéticos y Bioquímicos
(CEFOBI), Facultad de Ciencias Bioquímicas y
Farmacéuticas, Universidad Nacional de Rosario,
S2002LRK Rosario, Santa Fé, Argentina

J. O. Gieco
Estación Experimental Agropecuaria Manfredi, Instituto
Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA), Manfredi,
5988, Córdoba, Argentina

N. Paniego · R. A. Heinz
Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de
Buenos Aires, EHA1428 Ciudad Autónoma de Buenos
Aires, Argentina

G. D. L. Cervigni · M. V. Rodríguez · N. Paniego ·
R. A. Heinz · R. L. Benech-Arnold
Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y
Técnicas (CONICET), C1033AAJ Ciudad Autónoma
De Buenos Aires, Argentina

R. L. Benech-Arnold
Cátedra de Cultivos Industriales, Facultad de Agronomía,
Universidad de Buenos Aires, C1417DSE
Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

Present Address:

J. O. Gieco
Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional del
Litoral, Kreder 2805, S3080HOF Esperanza, Santa Fe,
Argentina

Table 3 Main effect QTL for seed dormancy trait

QTL	Flanking markers	Physical location	Physical size (pb)	Genetic size (cM)	Genes	Gene/Kb	Gene/cM
<i>qGI-1</i>	Xtxp32–Xtxp85	Chr01:52962744–Chr01:55721536	2,758,792	18	278	0.10	15.44
<i>qGI-3</i>	Xtxp38–Xcup14	Chr03:68.132.731–Chr03:72423918	4,291,187	17	547	0.13	32.18
<i>qGI-4</i>	Xtxp29–Xtxp41	Chr04:57546281–Chr04:58537697	991,416	30	109	0.11	3.63
<i>qGI-6</i>	sam44008–40-1896	Chr06:59065206–Chr06:60579009	1,513,803	9	210	0.14	23.33
<i>qGI-7</i>	Dsenhsbm7–36-1697	Chr07:54128269–Chr07:59786660	5,658,391	33	436	0.08	13.21
<i>qGI-9</i>	Xtxp107–44-2084	Chr09:57746020–Chr09:58246041	500,021	4	75	0.15	18.75

QTL name, flanking markers, physical location, physical size (in pb), genetic size (in cM), number of genes and gene densities (in gene/Kb and gene/cM) are indicated